



Aislamiento y caracterización de bacterias degradadoras de PET por bio-código de barras.



Universidad Nacional Autónoma de México
Colegio de Ciencias y Humanidades Plantel 1. Azcapotzalco
Argüelles Nájera Dulce María, Castillo Ramírez Andrea, Mercado Chan
Daniela Fernanda, Muñoz Flores Luis
Asesor: Juan Castro Dorantes

Introducción

El uso del PET (Tereftalato de polietileno) en la vida cotidiana ha provocado una gran acumulación en el planeta (1). Es difícil erradicarlo, por lo que se ha empleado la biorremediación como alternativa. Hoy en día se han descrito bacterias como: *I. Sakaiensis* (2), *Delftia* sp., *Saccharomyscopora viridis* (3), *Thermobifida* sp (4), y *Dietzia* sp (5).

Los biocódigos de barras son secuencias de DNA cortas y estandarizadas; que permiten identificar y relacionar las especies e individuos a nivel genético (6).

Objetivo

- Identificar por medio de biocódigo de barras bacterias degradadoras de PET.

Hipótesis

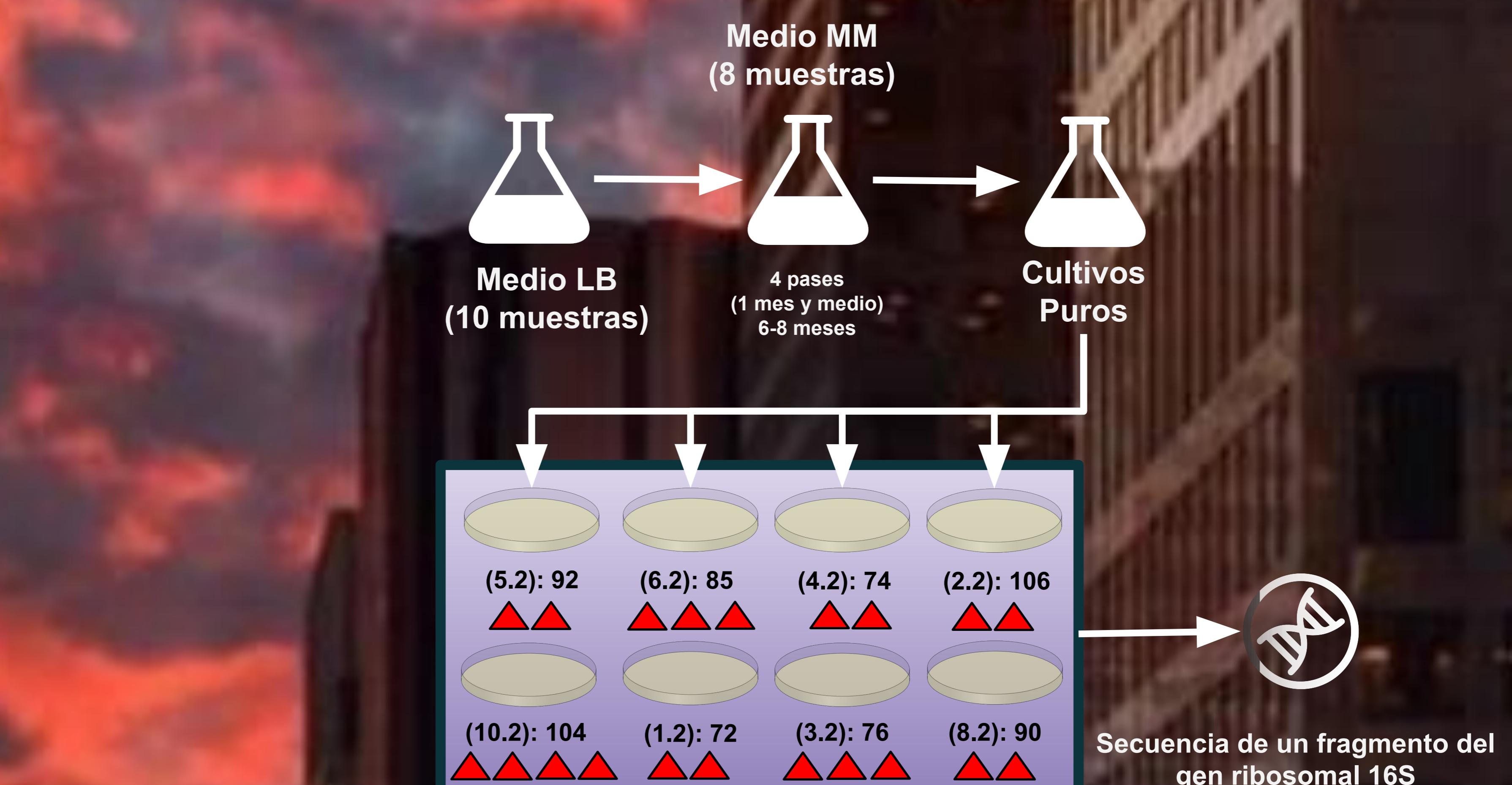
Instituciones han aislado bacterias degradadoras de PET recurriendo a tiraderos. Por lo tanto, en residuos sólidos del basurero del bordo de Xochiaca se podrían encontrar este tipo de bacterias.

Metodología

- Colecta: Muestreo en el basurero del bordo de Xochiaca
- Cultivos:
 - Medio LB: 25ml en 10 cultivos con 1cm³ de cada muestra recolectada del basurero del B.X por 5 días.
 - Medio MM con PET: 50ml de MM y 1ml de los cultivos LB por 90 días.
- Biofilm: Se incubaron las muestras en MM y en tubos de PCR por 60 días.
- Aislamiento DNA con un protocolo simplificado, PCR(fragmento gen ribosomal 16S), secuenciamiento.

Conclusiones

- Se aislaron bacterias degradadoras de PET.
- Por medio de código de barras podemos describir una gran diversidad de especies de bacterias degradadoras de PET.
- Hay una correlación de diversidad de biofilm con la biodiversidad de géneros



Biodiversidad de microorganismos degradadores de PET Gen ribosomal 16S

Muestra	Biofilm	Especies	% de identidad
1.2		<i>Pseudomonas</i> sp.	100
2.2		<i>Psychrobacter</i> sp; <i>Pseudomonas</i> .	100, 100
3.2		<i>Stenotrophomonas rhizophila</i> (?); <i>Pantoea</i> .	100, 100, 100
4.2		<i>Glutamicibacter</i> o <i>Arthrobacter</i> ; <i>Achromobacter</i> o <i>Enterobacter</i> .	100, 98.25
5.2		<i>Psychrobacter</i> sp; <i>Actinobacteria</i> o <i>Arthrobacter</i>	100, 100
6.2		<i>Pseudomonas</i> sp; <i>Chryseobacterium</i> sp o <i>Achromobacter</i> .	100, 100
8.2		<i>Paracoccus</i> sp; <i>Psychrobacter</i> .	100, 100
10.2		<i>Pseudomonas</i> sp; <i>Microbacterium</i> ; <i>Lysinibacillus</i> sp.	91.08, 93.4, 100

Bibliografía

- Freytas-Tamra, K. (2018) Los plásticos se acumulan en todo el mundo desde que China se ha negado a recibir más desechos. The New York Times es. Recuperado de: <https://www.nytimes.com/es/2018/01/16/contaminacion-plasticos-china-basura/>
- Yoshida, S.; Hiraga, K.; Takehana, T.; Taniguchi, I.; Yamaji, H.; Maeda, Y.; Toyohara, K.; Miyamoto, K.; Kimura, Y.; y Oda, K. (2016). A bacterium that degrades and assimilates poly(ethylene terephthalate). Science, 351(6278), 1196-1199.
- Nomoto, N.; Kamiya, N.; Bekker, G.; Yamagami, Y.; Inaba, S.; Ishii, K.; Susumu. (1955). Structural Dynamics of the PET-Degrading Cutinase-like Enzyme from *Saccharomyscopora viridis* AHK190 in Substrate-Bound States Elucidates the Ca²⁺-Driven Catalytic Cycle. Biochemistry, 57(36), 5289-5293.
- Danso, D.; Shmeisser, C.; Chow, J.; Zimmermann, W.; Wei, R.; Leggewie, C.; Li, Xiangzen; Hazen, T.; Streit, W. (2018). New Insights into the Function and Global Distribution of Polyethylene Terephthalate (PET)-Degrading Bacteria and Enzymes in Marine and Terrestrial Metagenomes. Applied And Environmental Microbiology, 84(17), 1-13. DOI: 10.1128/AEM.02773-17
- Rodríguez É. (Octubre 2018). Dietzia, una bacteria para combatir la contaminación. Agencia Informática Conacyt. Recuperado de: <http://newsnet.conacytprensa.mx/index.php/documentos/54012-dietzia-una-bacteria-para-combatir-la-contaminacion-n>
- Kress, W. J.; García Robledo, C.; Uriarte, M.; Erickson, D. L. (2015). DNA barcodes for ecology, evolution, and conservation. Trends in Ecology & Evolution. Vol. 30 No. 1



CONABIO
COMISIÓN NACIONAL PARA
EL CONOCIMIENTO Y USO
DE LA BIODIVERSIDAD